# 埋立地模擬カラムによる有機性廃棄物初期分解過程と温室効果ガス放出の挙動

#### 1. はじめに

地球温暖化の影響は年々増大しており、環境問題の中 で最も重要な対策課題の一つとして検討されている. IPCC によれば、メタンは二酸化炭素の 23 倍の GWP (Global Warming Potential)を有し、二酸化炭素に次ぐ温室効果ガス とである(11). メタンは、嫌気条件下においてメタン生成 古細菌により有機物をメタンと二酸化炭素へと無機化す る生物的プロセスおよび化石燃料などの非生物的なプロ セスによって大気中へ放出される. その放出量は吸収量 を年間 30~100 Mt 上回り、大気中のメタン濃度は年 1% の割合で増加している(7).発生するメタンのうち、発生 源の約 60%が人為的起源と言われており、さらにそのう ち約 10%が廃棄物埋立地由来であると見積もられている®. 一方、埋立地覆土は空気と接している好気的な領域にお いて、メタン酸化細菌の働きによるメタン放出抑制が近 年報告されており(12.13,18)、適正な埋立地の設計および管理 概念を構築することは、メタンの発生を抑制し、その酸 化を促進することにつながり地球温暖化抑制に大いに役 立つ可能性がある.

これまでにも実埋立地の現場調査や模擬実験はいくつ か報告されており(3, 14, 17),発生ガス・浸出水および微 生物の複雑な挙動や現象は個々に明らかにされつつある. しかし,温室効果ガスの観点からそれらの挙動について, 1 つの実験系の中で定量的にかつ総合的な研究はなされて いない.そこで本研究では単純な埋立地現象を模擬カラ ムにより人為的に再現し,炭素および窒素量についての 物質収支を基に,発生ガスおよび浸出水の挙動を把握す ることにより,異なる埋立地構造における廃棄物の分解 メカニズムを明確にすることを目的とした.これに加え, 主に 16S rDNARNA を分子マーカーとした分子生物学的 手法を用いることによりメタン生成とその抑制に関与す る微生物群集の解析を行うこととした.

# 2. 実験方法

#### 2.1 埋立地模擬カラムおよび運転条件

本研究では Fig.1 に示す,透明塩化ビニル製埋立地模擬 カラム.を用いた.実験は 3 つの条件で行い,酸素を全 く注入しない嫌気(R1),1週間に1回酸素 2 L を上部から 注入する上層好気(R2)および下部から1週間に1回酸素 2 L を注入する準好気(R3)とすることにより,異なる埋立地 構造を模擬した.廃棄物投入後,アルゴンガス (2 L/min, 2 hr)により 3 条件ともにカラム全体を嫌気状態にした後, 蒸留水 3 L をカラム気層部から注入して実験を開始した. 模擬カラムは全体を不透明黒ビニルカーテンで覆い,室 温 20℃ の暗所で運転を行った.また降雨として 500 ml の蒸留水を週に1度カラム上部から注入した. 水圈環境制御工学研究室 澤田浩介 指導教官 原田秀樹,大橋晶良



Fig.1 Simulated landfill column

Table 1 Gas, leachate and solid analysis methods

	detail	method	machine
Gas	volume composition	water displacement method gas chromatography (with TCD)	SIMADZU TCD GC-8A
Leac- hate	pH BOD COD <sub>Cr</sub> VFA TOC TKN NH4-N NO2-N NO3-N sulphate sulfide	electrometric method azide modification dosed reflux, colorimetric method gas chromatography (with FID) high-temperature combustion method kjeldahl method indo-phenol blue method colorimetric method brucine method barium chromate method lodometric method	HORIBA pH METER D-21 Titration HACH SIMADZU GC-14B SIMADZU TOC-V CSN HACH SIMADZU UV-160A SIMADZU UV-160A SIMADZU UV-160A Titration
Solid waste	pH TS VS C/N fiver COD <sub>Cr</sub> carbohydrate protein lipid	electrometric method standard method standard method high-temperature combustion method neutral detergent method open reflux method anthrone method Lowry method extraction-titrimetric method (COD <sub>Cr</sub> )	HORIBAPH METER D-21 ADVANTEC FC-610 YAMATO FM-48 YANAKO CN CORDER MT-700 Titration SIMADZU UV-160A SPECTROPHTOMETER

#### 2.2 投入模擬廃棄物

投入模擬廃棄物は湿潤重量で生ゴミ 60%, 紙 28%, 木 チップ 4%, PVC チューブ 5%, 布 2.5%および革 0.5%を 約 10 mm 角以下に細かくしたものを混合し, 有機性の高 い埋立地を模擬した. 廃棄物は 3 条件ともに湿潤重量で 9 kg, 廃棄物上部・下部には山土をそれぞれ 1 kg ずつ, 合 計 11 kg 投入した. 本投入模擬廃棄物の TS (Total Solid)は 合計で 5,949 g で, そのうち VS (Volatile Solid)は 4,610 g で ある. また 1 カラム当たり炭素 2,114 g, 窒素 64 g, さら に COD では 5,852 g が投入されている.

# 2.3 ガス,浸出水および固形物の分析方法

ガス,浸出水および固形物の分析は Table 1 の方法によ り行った.ガスは週に 1 回,蒸留水および酸素を注入す る前にカラム気層部のガス組成を,ガスクロマトグラフ にて分析後,ガスバックに採取し,発生量を測定した. 浸出水は週 1 回,蒸留水および酸素の注入前に採取し, 採取量の測定と分析を行った.固形物は採取量を測定し た後,ミキサーで粉砕し,各分析を行った.また固形物 中の溶解性試料の分析には,粉砕した既知量の固形物に 10 倍量の蒸留水を加えて 1 時間撹拌し,f0.4 mm のガラス 繊維濾紙で濾過したものを用いた.

#### 2.4 FISH (fluorescence *in situ* hybridization) 法

FISH 法は Amann らの方法(1)に準拠して行った. FISH 法による菌数のダイレクトカウントは荒木らの方法<sup>(19)</sup>に 従った.本研究に使用した 16S rRNA 標的 DNA プローブ は、メタン生成古細菌を特異的に検出する ARC915(5'-CITGCTCCCCCGCCAAITCCT-3')プローブ<sup>(15)</sup>、またメタ ン酸化細菌は、セリン経路を持つ Methanotroph Type I に は GM705(5'-CTGGTGTTCCTTCAGATC-3')<sup>(9)</sup>を, RuMP 経路を持つ Methanotroph Type II には AM445(5'-CITATCCAGGTACCGTCATTATCGTCCC-3')<sup>(9)</sup>を用いた.

各 DNA プローブには Cy-3 あるいは FITC を蛍光標識と して付加した. また全菌染色剤には DAPI あるいはエチ ジウムブロマイドを使用した.

# 3. 実験結果

本報告では、発生するガス、浸出水の挙動をもとに実 験開始から 150 日目までを 1st Phase (酸生成期)、それ以 降を 2nd Phase (酸生成・メタン生成期) と定義した.

#### 3.1 投入廃棄物の挙動

Table 2 に実験開始時、2 ヶ月後および 7 ヶ月後にサン プリングした投入廃棄物の各成分を示す.実験開始から 7

	Initial	2 month		7	7 month		
	munu	R1	R2	R3	R1	R2	R3
pН	6.7	3.9	3.9	3.9	4.0	4.5	4.3
TS : total solid (%) (g/gwet)	52	33	32	34	34	37	34
VS : volatile solid (%) (g/gwet)	94	95	94	93	95	96	95
Total carbon (%) (g/gdry)	42	44	43	48	40	41	51
Total Nitrogen (%) (g/gdry)	1.2	0.7	0.7	0.9	1.2	0.7	0.8
Fiver (%) (g/gdry)	74	73	77	73	87	87	90
Total COD (mg COD/gdry)	1,210	1,187	1,185	1,192	1,190	1,119	1,168
Soluble COD (mg COD/gdry)	109	86	90	110	N.A.	N.A.	N.A.
Total carbohydrate (mg COD/gdry)	766	698	682	692	696	651	645
Soluble carbohydrate (mg COD/gdry)	41	3	3	7	N.A.	N.A.	N.A.
Total protein (mg COD/gdry)	81	77	72	84	35	33	61
Soluble protein (mg COD/gdry)	22	14	13	15	N.A.	N.A.	N.A.
Total lipid (mg COD/gdry)	82	79	81	70	77	50	77
Soluble lipid (mg COD/gdry)	5	8	8	6	N.A.	N.A.	N.A.

N.A. : not analysis

ヶ月間において3条件に明確な違いは見られなかった. 実験開始時と比べると、3条件ともにpHは急激に低下し、 TS も蒸留水の注入により低下したが、粗繊維は74%から約90%まで増加した.全炭素および全窒素の変動は大き くはないが、炭素の割合は上昇し、窒素は減少した.全 COD および炭水化物、蛋白質、脂質の割合も減少した. 溶解性 COD においては炭水化物が41 mg/g-dry から3~7 mg/g-dry に大きく減少し、無機成分の割合が増加した.

#### 3.2 発生ガスの挙動

#### a) 酸素消費プロファイル

上層好気(R2), 準好気(R3)の 218 日目における酸素消費 プロファイルを Fig.2 に示す.上層好気(R2)は, No.3 ポー トまで浸透し, 2 日間で完全に消費された.準好気(R3)で は、4 日間で消費されたが,その間に投入した酸素はカラ ム下部から気層部まで達しており,カラム全体に好気領 域が広がっていることが確認された.

#### b) 累積ガス発生量および気層部ガス組成



left : upper-aerobic (R2), right : semi-aerobic (R3)

Fig.3 に累積ガス発生量およびカラム気層部ガス組成を 示す. 累積ガス発生量は 3 条件ともに実験開始直後 5 日 間の発生が著しく,約 35 L 発生した. その後好気条件で 活発に続き,準好気(R3)が最も高い.

カラム気層部におけるガス組成は 3 条件ともに実験開 始直後の 5 日間に二酸化炭素と水素が急激に発生し, そ れぞれ約 90%, 約 2.5%まで達した. その後, 1st Phase で は各条件ともに二酸化炭素は 80~90%の高濃度を維持し, 水素は減少した. メタンは嫌気(R1)では 120 日目頃から、 上層好気 (R2), 準好気(R3)では 200 日目頃から水素の減 少に伴い緩やかに発生した. 428 日目には嫌気(R1)で 25% まで達し, メタン濃度の上昇に伴い二酸化炭素の濃度は 減少した. 窒素は 3 条件ともに約 20%まで緩やかに増加 したが, その後は緩やかに減少した.

# c) 高さ方向の水素およびメタン濃度プロファイル

Fig.4 に 319 日目における水素およびメタンのカラム高 さ方向濃度プロファイルを示す.水素は、下層部ほど濃 度が高く、最下層部において嫌気(R1)、上層好気(R2)およ び準好気(R3)それぞれ 0.54, 0.24, 0.09%であった. 逆に メタンは上層部ほど濃度が高い。







Fig.4 profile of H<sub>2</sub>, CH<sub>4</sub> over the column hight (after 319 day)

3.3 浸出水の挙動 a) COD・BOD・TOC・窒素および硫黄の挙動

Fig.5 に各条件における浸出水の COD, BOD および TOC の挙動を示す. 3 条件ともに 1st Phase では高濃度で著し く発生した後に急激に減少した. 2nd Phase では各条件と も緩やかに減少し, 好気的領域が広い条件ほど浸出水中 有機物濃度の低下が見られた.



窒素および硫黄成分は 3 条件に明確な違いは見られな かったので、Fig.6 に嫌気(R1)における各成分の挙動を示 す。窒素成分は 3 条件ともに 1st Phase において, TKN が 約 3,500 mg/L を示したのに対し, NH<sub>4</sub>-N は約 350 mg/L と低く, NO<sub>2</sub>-N および NO<sub>3</sub>-N はほとんど検出されなかっ た. 硫黄成分のうち SO<sub>4</sub><sup>2</sup>は,他の成分よりもさらに急激 な増加と減少を見せ,200 日目以降は検出されなかった. また硫化物は SO<sub>4</sub><sup>2</sup>の変動の間に全く検出されなかった.

#### b) 揮発性脂肪酸(VFA: Volatile Fatty Acid)の挙動

Fig.7 に各条件における全 VFA, pH の挙動, 嫌気(R1) における各 VFA 成分の挙動を示す. 全 VFA は 1st Phase において 3 条件ともに約 5,000 mgCOD/L と高濃度に蓄積 し, pH は 4 以下の低い値を示した. 2nd Phase では, 嫌気 (R1)は最高で 15,000 mgCOD/L となり, 428 日目において も 5,000 mgCOD/L と VFA の蓄積が続き、pH は 4 以下で あった. 上層好気(R2)の VFA は若干減少したが, 増減を 繰り返しながら 1,500~3,000 mgCOD/L 程度と高濃度を維 持しており, pH は 4.2 を示した. 準好気(R3)では一時的









Fig.7 Characteristics of leachate, (A) : total VFA, (B) : pH, and (C) : VFAs of 嫌気(R1)

# 3.4 FISH 法によるメタン放出に関与する微生物の検出

FISH 法を用いて、実験開始から 8 ヶ月後の浸出水および 11 ヶ月後の廃棄物層上部と下部のメタン生成古細菌およびメタン酸化細菌の検出および定量を行った(Table 3).

#### a) 浸出水中に存在する微生物の比較

メタン生成古細菌およびメタン酸化細菌 Type I は検出 されなかったが、メタン酸化細菌 Type II は全ての条件で 検出された.メタン酸化細菌 Type II の全菌数に対する存 在比は、準好気(R3)では 19±6.1%で最も多く、次いで上 層好気(R2)で13±3.1%、嫌気(R1)で3±1.0%であった.

#### b) 廃棄物中に存在する微生物の比較

廃棄物層上部では、嫌気(R1)および準好気(R3)において メタン生成古細菌が確認できたが、全菌に対する存在率 は 0.1%以下と極めて低く、定量不可能であった.メタン 酸化細菌は浸出水と同様に全ての条件において Type II の みが検出され、上層好気(R2)が 1.3×10<sup>9</sup> cell/g-dry-waste と 最も存在し、全菌に対する存在率は 12±5.7%であった. しかし、廃棄物層下部からは 3 条件ともにメタン生成古 細菌およびメタン酸化細菌は全く検出されなかった.

Table 3 Direct counts of cell	s, all cells and methanotroph [	Type II
by FISH method		21

Sample		嫌気 (R1)	上層好気 (R2)	準好気 (R3)
Leachate (cell/ml)	all cells Methanotroph Type II Type II / all cells (%)	$\begin{array}{c} 8.8 {\pm} 1.5 {\times} 10^6 \\ 2.6 {\pm} 1.0 {\times} 10^5 \\ 3 {\pm} 1.0 \end{array}$	$\begin{array}{c} 3.5 {\pm} 1.4 {\times} 10^6 \\ 4.6 {\pm} 1.1 {\times} 10^5 \\ 13 {\pm} 3.1 \end{array}$	$\begin{array}{c} 2.2 \!\pm\! 0.63 \!\times\! 10^{7} \\ 4.1 \!\pm\! 0.61 \!\times\! 10^{6} \\ 19 \!\pm\! 6.1 \end{array}$
Waste top port (cell/g-dry waste)	all cells Methanotroph Type II Type II / all cells (%)	$7.8 \pm 0.75 \times 10^9$ $8.3 \pm 3.3 \times 10^7$ $1 \pm$	$\begin{array}{c} 1.1 \pm 0.07 \times 10^{10} \\ 1.3 \pm 0.06 \times 10^9 \\ 12 \pm 5.7 \end{array}$	$5.9 \pm 0.61 \times 10^{9}$ $4.1 \pm 1.6 \times 10^{8}$ $7 \pm 2.6$
Waste bottom port (cell/g-dry waste)	all cells Methanotroph Type II Type II / all cells (%)	1.8±0.15×10 <sup>9</sup> N.D.	1.6±0.23×10 <sup>9</sup> N.D.	2.4±0.44×10 <sup>9</sup> N.D.

\*N.D. : not detected

### 4. 考察 4.1 炭素収支

# 投入量に対する浸出水の COD および炭素の流出率 řg.8)は, 嫌気(R1)が最も高かった. これらの流出の約85%

(Fig.8)は、嫌気(R1)が最も高かった.これらの流出の約85% は 1st Phase に起きており、固形物中の易分解性有機物が 初期の段階で浸出水とともに著しく流出したものと考え られる.ガス COD はメタン放出が最も多い嫌気(R1)でも 0.06%と依然少ないが、ガス炭素は二酸化炭素の発生が著 しい好気条件、特に準好気(R3)が高く 1.33%である.また 嫌気(R1)の炭素放出率の大部分は二酸化炭素由来であり、 初期分解過程における廃棄物中の炭素の分解は、メタン 発酵よりも酸発酵による二酸化炭素への無機化が優先的 に行われた.

#### 4.2 窒素収支

窒素投入量 64 g に対して,浸出水の窒素成分の流出率 は嫌気(R1)48%,上層好気(R2)および準好気(R3)42%であ り,炭素の流出に比べて著しかった.この窒素の流出は, 廃棄物中の全蛋白質の減少に起因すると思われる.ガス の窒素は一般的に嫌気条件下における硝酸性窒素の脱窒 反応に由来するものであるが、本実験で用いた廃棄物中 に含有する硝酸性窒素量を水抽出により分析したところ、 発生する窒素量は 220 ml と推測された.そのため好気条 件における窒素の発生はアンモニアの硝化・脱窒反応に よるものと考えられる.しかし、嫌気条件下では硝化反 応は起こらないため、嫌気(R1)において発生している窒 素は、投入した蒸留水中の溶存酸素および窒素の影響、 あるいは実験開始時にアルゴンパージを2 L/min で2時間 十分に行ったが、充填物の間隙に残存していた窒素が徐々 に放出している可能性が考えられた.



Fig.8 Mass balance of COD and carbon

# 4.3 メタン生成

固形物の可溶化による有機汚濁物質は、酸発酵により VFA まで分解され、好気条件下では生分解性有機物とし てさらに二酸化炭素へ分解されているが、嫌気(R1)では 浸出水中に蓄積し、大部分はメタンへ無機化されること なく系外へ流出した.これは至適 pH が 6~8 程度<sup>®</sup>であ るメタン生成古細菌の活性が、VFA の蓄積による pH の 低下により阻害され、メタン生成が律速段階となってい るためと思われる.一方、嫌気環境下では SO4<sup>2</sup>存在下に おいてメタン生成古細菌と硫酸還元細菌は水素の利用を めぐって競うと言われているか<sup>®</sup>、本実験では硫化水素お よび硫化物は検出されなかったことから、硫酸還元はほ とんど無視できると考えられる.従って、廃棄物層下部 で発生した水素は、水素資化性メタン生成古細菌により 消費されているものと思われる.

嫌気性の埋立地ではメタン濃度は最終的に約 50~70% に達すると言われており(4),本実験は現在メタン生成初 期段階にあると思われる.他の埋立地模擬実験(4,16)にお いては、下水汚泥の混合や緩衝溶液による pH 調節および 嫌気的浸出水循環などを行うことにより、メタン濃度が 50%に至るまでに要する時間が 10~50 日と非常に短い. しかし、埋立地からのメタン放出は主にセルロースおよ びへミセルロースの分解に依存すると言われており(4), 本実験では粗繊維の割合が増加したことからも依然紙の 分解は進んでいないと考えられる.今後、セルロースお よびへミセルロースを主成分とする紙の分解が進めばメ タン生成がさらに活発になるものと思われる.

#### 4.4 メタン放出に関与する微生物の挙動

嫌気(R1)では、メタン生成古細菌が廃棄物層上部にお いて検出されたが、その存在率は低かった、これは VFA の蓄積と4以下の低 pH が影響し、メタン生成古細菌の 増殖が抑制されたためと考えられる.加えてFISH 法では、 活性が低く、増殖速度が遅い微生物の検出は困難となる ことから<sup>20</sup>, FISH 法では検出できない低活性のメタン生 成古細菌が存在する可能性も考えられる. 一方、メタン 酸化細菌は、3 条件ともに浸出水および廃棄物層上部にお いてType II のみ検出された.これは、メタン酸化細菌 Type I は高い酸素濃度および低メタン濃度において優占種とな るのに対して、Type II は酸素濃度が低い環境において優 占化するためと考えられる<sup>(10)</sup>.メタン酸化細菌はこれま で培養法に依存した菌数計測により、実廃棄物埋立地で は 3.4×10<sup>7</sup> œll/g-dry-soil(12), また埋立地模擬実験では 7.5 ×10<sup>8</sup> cell/g-dry-soil(5)が報告されている。本実験は依然メ タン生成初期段階にあり、メタン濃度が低いにも関わら ず、上層好気(R2)ではすでにそれらを上回るメタン酸化 細菌が観測され、嫌気(R1)および準好気(R3)よりも 1~2 オーダー多く存在していることが明らかとなった. 加え て、428 日間におけるメタン発生量も上層好気(R2)が最も 少なかった. これら結果から, 埋立地の好気領域を拡大 することによりメタン酸化細菌の活動を活発にし、メタ ン放出の抑制を促進できる可能性が強く示唆された.

#### 4.5 温室効果の比較

実験開始から 428 日間に発生したガスについて温室効 果の観点から評価を行った.二酸化炭素の 23 倍というメ タンの GWP を考慮して,二酸化炭素換算した場合の初 期分解過程における温暖化への寄与率は,準好気(R3)に 対して嫌気(R1)0.72 倍,上層好気(R2)0.95 倍で,準好気(R3) が最も高い結果となった.これは 1)嫌気(R1)では VFA の蓄積のためにメタン生成の律速段階となっていること, 2) 上層好気(R2)では VFA の蓄積に加えて,表層付近にお けるメタン酸化細菌によるメタン放出が抑制されている こと,および発生メタンの好気分解が表層付近に限られ



Fig.9 Greenhouse gas emission based on carbon dioxide equivalent

るため、3) 準好気(R3)では下部からの酸素の注入により 好気的領域がカラム全体に広がり、好気分解が加速して いるために二酸化炭素の発生が著しいことに加えて、pH の上昇により一部の嫌気領域でのメタン生成も起こって いるためである.しかし今後、時間の経過に伴い嫌気(R1) における VFA の蓄積が減少すればメタン生成が活発にな ることが予測される.従って、メタンおよび二酸化炭素 の発生が終了し、埋立地が安定した段階で、最終的に発 生ガスによる温室効果を比較する必要がある.

#### 5. まとめ

本研究では廃棄物埋立地模擬カラムを用い,異なる埋 立地構造における物質収支を基にした埋立地初期分解過 程の詳細な観察・解析および温室効果ガスであるメタン の放出に関与する微生物生態について FISH 法による検 出・定量を行った.

埋立地構造の違いに関わらず、実験開始から 150 日目 までの酸生成期に有機汚濁物質の流出が著しく起こった が、150 日目以降の酸生成・メタン生成期では急激に低下 し、有機汚濁物質濃度は好気領域を広く有する準好気条 件ほど低く安定した.従って埋立地に浸出水処理施設を 設ける場合、好気領域の拡大および周知の浸出水循環と 組み合わせた埋立地構造にすることにより、初期高濃度 汚濁物質の低下を図り、酸生成・メタン生成期以降の浸 出水濃度で処理施設を設計することが望ましい.

メタン放出量は嫌気条件が最も多く、上層好気条件で は最も少なかった.そして上層好気条件では最も多いメ タン酸化細菌が観測された.これらのことは埋立地表層 における好気領域拡大を図ることにより埋立地内部で生 成されたメタンをメタン酸化細菌により抑制することが 可能であることを示している.しかしながら、初期 428 日間の発生ガスを基にした温暖化寄与率を評価した場合、 好気条件における二酸化炭素の発生が著しいため、準好 気が最も温暖化寄与率が高い結果となった.

今後、さらに長期的に物質収支を基にした異なる埋立 地構造における浸出水および温室効果ガス挙動の解明お よび 16S rDNA/RNA を分子マーカーとした分子生物学的 手法によるメタン生成古細菌およびメタン酸化細菌の解 析が行われることを期待する.

#### 【参考文献】

- Amann, R. I. 1995. In Situ Identification of Micro-Organisms by Whole Cell Hybridization with rRNA-Targeted Nucleic Acid Probes. MMEM 3.3.6:1-15.
- Amann, R. L, W. Ludwig, and K. H. Schleifer. 1995. hylogenetic identification and in situ detection of individual microbial cells without cultivation. Microbio. Rev 59:143-169.
- Barlaz, M. A. 1996. Microbiology of Solid Waste Landfill, p. 31-70. *In* A. C. Palmisano and M. A. Barlaz (ed.), Microbiology of Solid Waste, 3 ed. Bob Stern.
- 4) Barlaz, M. A., D. M. Schaefer, and R. K. Ham. 1989. Bacterial Population Development and Chemical Characteristics of Refuse Decomposition in a Simulated Sanitary Landfill. Appl. Environ.

Microbiol. 55:55-65.

- 5) Chiemchaisri, W., C. Visavanathan, and J. S. Wu. 1999. Biorogical Activities of Methane Oxidation in Landfill Cover Soils. Proceedings of the 15th International Conference on Solid Waste Technology and Management, Pt 1, 1999:125-132.
- 6) Christensen, T. H., and P. Kjeldsen. 1989. Basic Biochemical Processes in Landfill, p. 29-49. *In* T.H.Cristensen, R.Cossu, and R.Stegmann (ed.), Sanitary Landfilling: Process, Technology and Environmental Impact. Academic Press, London.
- Cicerone, R. J., and R. S. Oremland. 1988. Biogeochemical Aspects of Atmospheric Methane. Global Biogeochem. Cycles 2:299-327.
- Crutzen, P. J. 1991. Methane's Sinks and Sources. Nature 350:380-381.
- 9) Gulledge, J., A. Ahmad, P. A. Steudler, W. J. Pomerantz, and C. M. Cavanaugh. 2001. Family- and Genus-Level 16S rRNA-Targetes Oligonucleotide Probes for Ecological Studies of Methanotrophic Bacteria. Appl. Environ. Microbiol. 67:4726-4733.
- Hanson, R. S., and T. E. Hanson. 1996. Methanotrophic Bacteria. Microbio. Rev 61:439-471.
- 11) IPCC. 2001. Third Assessment Report. Climate Change 1995.
- Jonse, H. A., and D. B. Nedwell. 1993. Methane Emission and Methane Oxidation in landfill Cover Soil. FEMS Microbiol. Ecol. 102:185-195.
- 13) Kightley, D., D. B. Nedwell, and M. Cooper. 1995. Capacity for Methane Oxidation in Landfill Cover Soils Mesured in Laboratory-Scale Soil Microcosms. Appl. Environ. Microbiol. 61:592-601.
- Pohland, F. G. 1975. Sanitary Landfill Stabilization with Leachate Recycle and Residual Treatment. AIChE Symp Ser:308-318.
- 15) Stahl, D. A., and R. I. Amann. 1991. Development and application of nucleicacid probes, p. 205-248. *In* E. Stackebrandt and M. Goodfellow (ed.), nucleic Acid Techniques in Bacterial Systematics. Wiley, United Kingdom.
- 16) Stegman, R., and H.-H. Spendlin. 1989. Enhancement of degradation: German Experience, p. 61-82. *In* T.H.Cristensen, R.Cossu, and R.Stegmann (ed.), Sanitary Landfilling: Process, Technology and Environmental Impact. Academic Press, London.
- 17) Stegman, R., and H. H. Spendlin. 1986. Reserch Activities on Enhancement of Biochemical Processes in Sanitary Landfills. Water Poll. Res. 21:572-591.
- 18) Whalen, S. C., W. S. Reeburgh, and K. A. Sandbeck. 1990. Rapid Methane Oxidation in a Landfill Cover Soil. Appl. Environ. Microbiol. 56:3405-3411.
- 19) 荒木信夫,大橋晶良,原田秀樹, and I. Machdar. 1999. FISH 法を適用した生物膜内硝化細菌の菌数計測と空間分布の観察. 水環境学会誌 22:152-159.